10.1071/SB09004_AC
© CSIRO 2009

Accessory Publication: *Australian Systematic Botany*, 2009, **22**(5), 332–343

Genetic differentiation among and within three red mahoganies (series Annulares), *Eucalyptus pellita*, *E. resinifera* and *E. scias* (Myrtaceae).
S. Le, C. Nock, M. Henson and M. Shepherd

Accessory Publication

Genotype data for 192 Red Mahogany individuals for 13 microsatellite loci. Individuals tree labels are constructed from a Taxa , individual tree , and locality code. RES = E. resinifera, PEL = *E. pellita*, SCIA = *E. scias* subsp *apoda*, SCIC = *E. scias* subsp *callimastha*, SCIS = *E. scias* subsp *scias*, U = *E. urophylla* Locality codes consist of a provenance (See Table 1) and regional/country/state element. NB A1 = allele 1; A2 = allele 2; 0= missing genotype data.

	EMBRA006		**EMBRA011**		**EMBRA020**		**EMBRA028**		**EMBRA042**		**EMBRA068**		**EMBRA081**		**EMBRA120**		**EMBRA175**		**EMBRA209**		**EMBRA210**		**EMBRA214**		**EMBRA242**	
Sample	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2	A1	A2
RES6002RAVQLD	138	144	132	174	147	147	190	234	115	123	127	127	86	96	127	127	58	58	115	119	207	213	114	118	149	149
RES6003RAVQLD	146	150	130	172	137	147	190	204	119	133	0	0	100	108	149	153	58	104	115	119	205	215	114	124	149	149
RES6004RAVQLD	144	146	130	130	143	145	216	220	107	125	127	127	88	96	127	127	58	58	115	125	207	213	114	124	149	151
RES6005RAVQLD	138	142	124	130	139	147	206	216	113	127	127	131	98	98	127	131	58	58	115	115	213	217	114	114	149	151
RES6006RAVQLD	138	144	128	148	135	137	186	186	109	135	127	127	88	96	127	147	58	76	115	121	213	215	114	120	149	151
RES6090MARQLD	116	156	124	140	127	139	196	204	125	127	135	135	100	114	137	139	58	76	119	119	213	215	116	118	149	149
RES6091MARQLD	132	144	130	132	137	139	202	212	115	137	0	0	86	96	147	149	58	58	147	153	215	217	146	152	149	149
RES6092MARQLD	138	146	130	142	139	139	190	194	141	143	83	127	88	96	127	145	0	0	113	145	211	211	112	144	151	151
RES6094MARQLD	128	148	126	132	133	143	202	202	107	123	87	87	86	96	137	149	58	58	121	121	215	217	96	120	149	149
RES6096MARQLD	138	138	130	132	135	137	202	208	107	143	83	127	86	110	127	127	58	70	115	119	215	217	114	116	151	161
RES6098MARQLD	132	146	132	144	137	149	218	232	141	143	83	83	0	0	0	0	58	68	115	125	0	0	0	0	149	159
RES6100MARQLD	144	146	130	130	145	145	200	212	127	141	87	87	0	0	0	0	58	58	95	145	0	0	0	0	149	151
RES6101MARQLD	116	138	130	132	139	145	196	200	133	143	0	0	82	82	0	0	58	70	133	141	0	0	0	0	151	151
RES6032FRAQLD	126	130	112	120	129	135	206	208	107	121	87	95	96	98	121	133	72	76	115	121	209	217	120	122	141	153
RES6035FRAQLD	128	150	142	146	129	131	204	210	115	123	85	103	92	98	121	139	68	76	115	119	195	203	114	114	143	161
RES6070STRQLD	140	144	158	176	129	137	206	216	109	133	83	113	96	98	143	145	68	72	115	121	201	219	114	120	149	149
RES6072BEEQLD	136	144	0	0	121	145	0	0	141	143	87	135	96	98	137	143	0	0	123	135	209	213	124	132	149	159
RES6073BEEQLD	156	158	128	172	139	145	190	204	113	121	87	135	98	104	137	137	72	72	125	135	205	213	122	124	161	161
RES6074BEEQLD	138	150	124	124	139	143	202	215	117	123	135	135	96	100	139	143	76	76	119	135	217	225	110	116	149	149
RES6077BEEQLD	128	150	110	136	139	139	206	210	105	137	0	0	88	90	143	143	72	76	113	113	205	215	112	112	149	151
RES6079BEEQLD	148	150	130	158	145	151	186	216	107	131	0	0	82	82	0	0	70	76	119	121	0	0	0	0	149	149
RES6080BEEQLD	146	148	122	124	137	139	192	216	107	117	79	95	96	118	129	143	68	72	115	125	203	213	114	124	149	149
RES6081BEEQLD	148	150	132	134	129	135	192	204	127	143	85	85	92	98	139	147	70	72	115	115	207	211	114	114	149	149

RES6082POMQLD	144	148	132	164	127	131	218	218	113	131	93	105	94	104	139	147	58	76	115	119	207	207	114	116	149	149
RES6083POMQLD	144	146	118	136	139	139	190	208	107	127	129	131	96	100	129	131	72	76	115	115	201	205	114	114	149	159
RES6084POMQLD	144	154	114	118	139	145	204	204	123	129	0	0	92	100	143	151	72	72	115	125	211	213	114	124	149	159
RES6085POMQLD	126	126	128	174	121	125	190	212	121	131	135	135	96	108	139	139	72	72	115	139	205	221	114	136	153	153
RES6087POMQLD	134	134	126	146	149	149	190	212	107	107	85	85	86	112	127	159	70	72	139	143	207	207	136	140	149	149
RES6088POMQLD	136	140	126	142	137	149	206	214	133	143	85	85	114	118	143	145	58	70	115	125	205	207	114	124	149	149
RES6089POMQLD	130	144	128	130	145	149	202	212	107	129	135	135	92	104	143	145	62	76	137	137	207	209	120	134	149	151
RES6007KENNSW	152	158	120	130	121	149	194	224	115	121	85	85	96	112	129	143	72	74	119	119	205	223	116	116	149	149
RES6008KENNSW	144	154	120	124	135	153	198	216	107	125	0	0	88	104	139	147	70	82	115	119	199	211	114	118	149	151
RES6009KENNSW	150	152	120	124	143	147	206	212	117	121	85	85	86	92	131	147	64	106	119	125	205	217	114	118	147	149
RES6010KENNSW	128	144	124	136	131	137	196	204	117	125	79	85	92	100	127	139	58	74	115	145	207	209	114	144	149	149
RES6011KENNSW	130	136	114	124	125	139	186	190	119	129	85	103	86	94	121	125	64	70	115	119	203	221	114	132	149	149
RES6013KENNSW	138	144	116	124	121	121	190	212	105	107	87	95	92	98	121	143	58	60	0	0	207	215	114	122	149	151
RES6014KENNSW	144	146	116	124	121	125	178	182	105	123	85	87	92	96	129	139	60	76	117	121	199	211	114	122	149	149
RES6046KENNSW	146	150	118	126	147	147	200	200	117	119	85	85	102	118	137	149	68	74	125	127	215	215	124	140	149	151
RES6048KENNSW	128	144	116	126	129	137	196	198	101	119	85	89	108	128	139	145	58	72	115	119	205	213	114	116	149	149
RES6049KENNSW	136	150	116	124	137	137	204	204	123	123	105	131	86	102	131	139	64	64	115	119	197	219	114	118	149	151
RES6050KENNSW	146	150	118	126	147	147	200	200	117	119	85	85	102	112	137	149	68	74	125	147	213	213	124	140	149	151
RES6052KENNSW	136	144	118	130	131	143	210	218	115	115	85	85	86	96	149	157	60	70	119	147	187	213	118	126	149	153
RES6054KENNSW	126	150	124	128	147	155	196	208	113	131	93	121	92	124	121	139	75	82	145	145	187	223	144	144	149	151
RES6066KENNSW	122	144	124	126	135	139	190	194	107	139	85	85	86	92	131	143	76	76	119	127	201	205	118	126	147	151
RES6016WOONSW	128	136	124	126	125	137	202	208	107	119	83	83	96	112	143	151	72	76	127	127	221	221	114	122	137	161
RES6017WOONSW	126	136	122	154	125	131	208	218	129	139	129	129	98	98	129	153	70	72	125	143	209	215	124	140	137	149
RES6018WOONSW	134	136	124	174	137	149	186	218	109	137	85	85	88	88	121	127	76	80	115	115	207	219	114	114	149	149
RES6020WOONSW	128	136	126	164	137	155	196	214	107	127	85	95	84	96	121	139	72	72	113	121	221	221	112	120	137	149
RES6021WOONSW	0	0	0	0	0	0	0	0	141	143	0	0	94	114	0	0	0	0	0	0	0	0	114	116	159	159
RES6022WOONSW	0	0	124	142	133	133	0	0	141	143	0	0	84	94	0	0	0	0	115	141	0	0	96	114	159	159
RES6023WOONSW	128	128	122	142	0	0	0	0	141	143	0	0	0	0	149	151	0	0	0	0	0	0	114	116	159	159
RES6065WOONSW	150	152	126	134	143	145	210	214	125	127	87	99	96	112	133	147	72	74	115	137	219	221	114	122	149	149
RES6066WOONSW	136	136	120	124	127	145	184	200	119	133	87	99	86	92	127	139	66	78	115	119	203	215	114	118	149	153
RES6068WOONSW	136	144	120	126	137	145	190	208	117	129	87	99	98	102	145	151	58	70	121	121	205	215	120	120	147	153
RES6069WOONSW	126	146	120	128	137	147	202	204	119	131	115	117	98	112	139	159	58	60	115	119	207	221	114	118	149	149
RES6025COFNSW	0	0	112	142	0	0	0	0	141	143	83	83	88	94	0	0	0	0	0	0	0	0	114	122	159	159
RES6026COFNSW	128	144	110	126	135	139	208	224	117	127	0	0	86	102	123	143	72	74	115	119	0	0	114	118	149	153
RES6027COFNSW	128	136	122	126	121	145	208	210	109	117	85	91	84	92	127	139	58	68	119	123	201	217	118	122	149	161
RES6028COFNSW	128	150	112	158	131	143	198	214	115	121	75	85	86	94	121	127	66	72	115	125	205	223	114	124	149	149
RES6029COFNSW	128	140	124	134	131	137	194	206	107	119	83	83	92	106	123	137	66	72	121	123	209	225	120	122	131	149
RES6030COFNSW	126	128	126	134	137	139	210	214	117	141	85	85	98	122	121	137	58	70	115	135	199	221	114	132	135	141
RES6031COFNSW	134	144	124	126	129	137	192	196	109	121	85	85	88	98	139	149	72	76	119	127	0	0	116	124	137	147
RES6057COFNSW	136	136	120	124	145	147	218	224	123	141	131	135	98	102	131	135	70	86	115	115	209	217	114	114	149	149

RES6060COFNSW	136	144	124	170	143	145	204	212	115	117	121	127	98	116	121	127	68	70	125	125	209	225	124	124	151	151
RES6061COFNSW	134	140	120	120	137	151	194	198	115	117	85	85	88	124	149	157	72	72	115	125	201	211	114	124	149	149
RES6062COFNSW	136	150	120	126	127	145	184	198	109	123	87	87	84	88	143	155	70	72	127	141	205	207	124	138	149	161
RES6063COFNSW	128	136	120	122	131	131	198	212	121	139	111	135	92	112	137	149	58	70	115	121	209	209	96	114	147	151
RES6064COFNSW	144	146	124	132	129	143	192	194	117	121	135	135	98	98	137	155	70	72	115	153	209	215	114	152	147	149
RES6036NOWNSW	128	144	110	126	135	139	208	224	117	127	0	0	86	102	123	143	72	74	115	119	217	223	114	118	149	153
RES6038NOWNSW	128	150	113	134	131	131	198	214	115	121	75	85	86	100	121	139	66	72	115	127	205	223	114	124	149	149
RES6040NOWNSW	126	128	126	134	137	139	210	214	117	121	83	85	98	118	121	137	58	70	115	135	199	221	114	132	147	149
RES6041NOWNSW	134	144	124	126	129	137	192	196	109	121	85	87	88	98	139	149	72	76	119	127	205	213	116	124	137	147
RES6042NOWNSW	126	130	112	120	129	135	206	208	107	121	87	87	92	98	121	143	72	76	115	121	0	0	120	122	141	151
RES6043NOWNSW	128	150	122	138	129	131	204	210	115	131	85	101	88	90	121	127	68	68	115	115	195	203	114	114	149	161
RES6045NOWNSW	136	150	116	124	137	137	204	204	141	143	105	131	86	132	131	139	64	64	115	119	197	219	114	118	149	151
RES6102EWINSW	142	144	118	138	145	147	198	216	111	143	85	125	88	118	125	125	62	72	115	115	213	217	114	114	149	149
RES6103EWINSW	144	146	128	142	139	145	192	202	123	123	83	87	94	112	139	143	66	74	113	115	209	209	114	130	137	153
SCIA301BOONSW	132	134	130	134	119	151	198	218	141	143	95	119	84	98	129	139	58	72	115	115	0	0	114	124	151	151
SCIA302BOONSW	124	136	118	124	121	133	194	212	127	143	89	89	84	88	131	143	72	74	115	121	205	209	114	120	151	153
SCIA303BOONSW	136	144	120	142	121	121	200	200	123	141	89	89	84	98	133	143	66	72	115	135	211	217	114	132	147	151
SCIA304BOONSW	128	136	124	130	119	119	210	210	123	135	85	87	98	98	129	139	72	72	119	119	218	221	116	124	151	151
SCIA305BOONSW	128	128	120	142	119	137	194	194	123	143	105	109	86	98	129	143	0	0	133	159	213	221	130	156	153	155
SCIA306MALNSW	124	150	136	136	121	133	212	232	123	133	89	95	84	98	129	133	58	70	125	141	212	221	124	138	149	149
SCIA307MALNSW	140	160	124	138	121	121	204	208	123	143	87	87	98	124	123	149	58	58	115	139	207	207	114	132	147	151
SCIA308BANNSW	136	136	122	128	137	137	190	218	117	119	85	121	92	92	131	135	68	68	0	0	213	217	124	124	145	153
SCIA309BANNSW	148	154	124	126	135	137	230	230	117	143	85	121	92	92	133	151	68	70	123	125	205	221	122	124	151	151
SCIC310BRONSW	136	146	124	124	127	133	200	214	113	119	75	85	92	100	149	155	68	78	115	151	211	217	114	150	149	161
SCIC311BRONSW	126	128	134	134	143	147	182	190	113	141	85	85	86	102	145	149	68	70	115	119	215	219	114	116	149	159
SCIC312BRONSW	144	158	118	120	123	143	182	200	113	117	75	85	96	122	139	149	72	82	123	123	209	225	122	122	151	155
SCIC313BRONSW	146	150	124	150	137	143	182	208	111	121	85	89	96	102	123	137	70	76	123	151	195	217	122	150	149	155
SCIC314BRONSW	128	136	124	130	143	149	182	200	117	123	89	91	88	106	121	139	70	72	123	123	209	223	122	122	155	161
SCIC315BRONSW	126	128	120	130	129	135	214	224	119	121	75	85	88	96	139	151	70	78	115	115	209	215	114	124	137	155
SCIS316BOUNSW	128	140	124	126	129	137	208	210	107	115	83	87	94	102	145	147	58	82	119	119	0	0	96	118	155	161
SCIS318BOUNSW	126	138	126	132	137	147	206	208	119	127	85	97	96	112	127	139	78	84	115	137	223	231	114	134	161	163
SCIS319BOUNSW	126	146	124	126	135	147	192	212	121	127	133	135	88	96	133	139	68	82	115	119	187	219	114	116	151	161
SCIS320BOUNSW	136	148	120	120	143	155	192	226	107	123	99	99	88	108	139	145	68	72	115	125	201	221	114	124	161	163
U1	136	136	126	126	119	145	186	200	103	143	127	129	86	116	147	149	70	70	119	155	0	0	112	116	147	147
U2	140	140	120	126	135	135	176	176	103	125	119	129	88	108	147	147	70	74	115	115	205	215	122	144	161	161
U64	128	138	132	132	139	153	176	184	109	147	81	89	94	96	127	135	88	88	115	119	207	209	112	114	135	135
U89	134	134	146	146	139	147	190	196	121	147	81	93	84	88	149	151	70	100	125	147	213	223	124	146	159	159
U99	128	143	120	128	129	139	176	192	115	143	81	87	100	102	145	157	84	84	147	155	209	223	146	154	151	153
U127	128	150	132	132	119	151	206	216	117	119	81	87	82	90	127	153	84	102	115	139	223	227	136	136	155	159
U129	124	146	128	128	119	131	176	210	119	125	89	93	88	90	135	143	60	72	135	137	209	215	132	134	151	159

U193	124	130	112	120	119	139	190	194	111	143	89	125	84	90	143	149	80	84	119	131	197	215	116	128	131	161
PEL401INDO	138	140	134	136	147	147	206	222	111	117	83	103	86	114	153	157	76	78	119	133	211	211	118	130	161	161
PEL402INDO	136	136	134	134	147	153	206	206	111	117	83	103	100	114	151	151	84	92	123	145	209	227	114	114	137	151
PEL405INDO	136	140	134	134	139	139	192	198	113	117	83	103	84	88	147	149	84	92	115	115	0	0	114	114	137	159
PEL406INDO	136	136	134	134	147	149	206	226	113	123	101	103	86	86	151	157	76	78	115	123	211	227	114	122	137	151
PEL407INDO	136	138	134	134	121	147	206	214	111	123	83	101	88	88	139	157	82	92	115	115	207	207	114	114	151	161
PEL410INDO	136	136	134	134	121	151	210	222	111	111	83	101	86	86	147	157	78	94	115	123	211	211	114	122	136	159
PEL411INDO	136	140	134	134	121	151	200	206	111	113	83	83	94	114	139	151	76	92	123	133	209	229	122	130	153	153
PEL413INDO	136	138	134	134	145	145	196	196	111	115	83	101	84	86	151	157	76	104	115	115	211	211	114	122	153	153
PEL414SKIPNG	136	136	134	134	131	151	206	208	113	119	83	105	86	114	143	145	92	108	123	123	217	229	122	122	151	159
PEL415SKIPNG	136	136	122	134	133	151	184	210	111	117	103	103	86	114	151	157	76	76	115	133	203	213	114	132	151	151
PEL416SKIPNG	136	140	134	134	121	147	176	222	115	131	103	111	84	88	157	157	76	76	115	143	203	227	114	140	135	159
PEL417SKIPNG	136	138	0	0	147	151	0	0	0	0	103	103	84	88	145	151	0	0	115	123	203	209	114	122	137	159
PEL419SKIPNG	136	136	134	136	147	149	210	214	111	125	105	107	88	114	127	143	76	78	115	115	213	213	114	170	0	0
PEL420SKIPNG	136	136	134	138	135	147	176	186	113	125	91	103	86	114	149	149	66	76	115	119	213	215	114	118	159	159
PEL421SKIPNG	136	136	132	134	135	141	210	214	111	125	83	105	88	114	129	157	78	92	119	119	209	227	118	118	137	137
PEL422SKIPNG	136	136	134	136	149	151	196	210	113	129	103	109	84	86	139	143	68	68	119	163	213	231	116	160	151	165
PEL425SERPNG	136	136	132	144	131	151	184	184	111	117	0	0	0	0	0	0	76	92	115	115	0	0	0	0	159	163
PEL428SERPNG	136	138	118	134	147	147	208	216	111	113	83	103	94	112	157	159	76	92	115	135	229	229	114	132	159	159
PEL430SERPNG	136	146	118	134	149	151	206	206	111	113	107	109	86	86	129	159	76	78	131	135	215	227	128	132	159	159
PEL434SERPNG	136	138	132	134	121	151	174	206	111	129	103	103	84	88	151	157	80	92	123	141	219	225	122	138	159	159
PEL435SERPNG	136	136	132	160	131	131	206	206	111	113	103	107	84	88	157	157	76	80	115	123	209	209	114	122	135	159
PEL438SERPNG	0	0	0	0	0	0	0	0	123	131	93	105	86	94	139	151	0	0	0	0	0	0	114	126	0	0
PEL439SERPNG	0	0	134	134	0	0	186	186	123	123	0	0	0	0	127	127	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
PEL443SERPNG	136	136	134	134	149	149	186	186	117	117	103	127	88	88	127	149	66	78	115	127	213	215	114	126	159	159
PEL444SERPNG	0	0	134	134	147	147	194	218	113	113	91	103	86	114	139	151	76	76	115	127	209	227	114	126	159	159
PEL447SERPNG	130	130	134	134	151	151	184	210	111	111	83	109	86	114	143	157	78	78	143	143	227	227	128	140	159	159
PEL448SERPNG	0	0	134	134	149	151	186	218	111	113	91	91	86	86	142	149	78	94	115	115	227	227	114	122	159	159
PEL449SERPNG	130	134	134	134	0	0	0	0	111	113	89	89	86	114	139	141	0	0	0	0	213	213	114	114	159	159
PEL450SERPNG	0	0	130	148	151	151	184	222	111	117	105	109	114	114	139	157	92	96	115	143	215	225	114	140	151	151
PEL453SERPNG	134	136	122	134	131	147	210	218	117	123	89	89	86	86	139	151	76	76	115	119	215	227	96	114	159	159
PEL454SERPNG	116	120	136	136	131	131	206	214	113	125	103	105	86	86	127	129	76	76	115	119	213	223	114	118	159	159
PEL456SERPNG	0	0	132	138	135	141	210	210	117	125	91	103	88	114	129	153	78	78	121	135	209	213	120	132	0	0
PEL457KIRPNG	136	136	134	134	131	149	176	192	117	117	83	115	112	114	145	145	76	92	119	145	215	227	116	144	137	161
PEL458KIRPNG	136	140	134	134	147	151	184	208	111	115	83	103	86	114	147	151	76	78	123	155	217	225	122	154	151	151
PEL459KIRPNG	136	136	134	134	131	151	184	208	113	113	83	113	84	86	145	157	76	92	115	135	213	215	114	122	131	135
PEL461KIRPNG	136	136	132	138	147	149	210	210	111	111	91	103	114	116	145	151	62	76	115	119	213	215	114	116	137	159
PEL463GOEPNG	136	136	124	134	131	131	210	210	107	113	91	103	114	114	143	143	92	92	121	143	225	229	120	140	135	135
PEL464GOEPNG	136	136	134	134	119	153	222	224	111	121	83	103	86	88	129	151	78	92	149	155	199	225	114	148	161	161
PEL465GOEPNG	0	0	134	134	0	0	0	0	111	111	81	103	86	86	142	151	0	0	0	0	0	0	122	130	0	0

PEL466GOEPNG	136	136	134	134	149	151	186	216	111	111	103	105	86	86	127	157	76	76	115	145	203	229	114	144	151	159
PEL468GOEPNG	138	138	134	136	131	147	216	216	111	111	0	0	0	0	0	0	76	76	123	123	0	0	0	0	137	159
PEL469GOEPNG	136	136	134	134	131	135	210	218	117	117	103	103	86	86	139	139	76	76	121	135	213	213	120	120	135	151
PEL501KURQLD	128	138	128	134	133	145	204	204	113	113	103	107	84	88	139	139	68	76	125	125	217	217	124	124	133	159
PEL502KURQLD	128	138	128	134	133	145	190	204	113	113	83	91	88	96	139	139	68	76	115	115	217	217	114	124	159	159
PEL503KURQLD	128	138	134	134	121	145	210	220	113	115	91	103	88	88	139	149	68	96	115	143	221	221	114	140	159	159
PEL504KURQLD	128	128	134	156	129	145	196	206	115	125	91	95	94	104	143	143	68	70	119	125	221	221	118	124	149	159
PEL505KURQLD	128	138	130	134	121	145	196	206	107	145	93	93	88	94	139	139	68	70	115	143	207	221	114	140	159	159
PEL506KURQLD	120	136	130	136	133	133	204	204	113	127	99	99	86	88	143	143	96	96	123	147	201	213	122	146	159	159
PEL507STAQLD	126	148	108	134	131	139	208	212	119	137	89	113	88	120	129	139	68	98	119	119	199	215	96	116	149	159
PEL509STAQLD	138	138	134	138	131	133	200	210	113	137	91	109	86	86	127	143	68	96	115	121	199	209	110	114	149	159
PEL510STAQLD	138	148	134	138	131	133	184	200	119	139	91	103	88	106	129	145	90	98	119	143	209	217	96	116	137	159
PEL511STAQLD	136	138	134	134	131	133	200	200	111	127	91	129	86	88	129	129	76	78	115	121	209	209	114	120	159	159
PEL512STAQLD	136	140	130	162	135	135	182	202	119	141	89	91	86	90	129	145	94	94	115	147	207	219	114	146	135	161
PEL513ARIQLD	128	140	134	138	129	133	206	206	113	115	85	85	88	100	139	139	68	72	115	121	225	225	114	120	159	159
PEL514ARIQLD	128	128	134	134	121	133	204	206	113	123	85	103	86	88	139	143	70	96	139	159	199	215	110	156	149	159
PEL515ARIQLD	128	148	122	134	121	139	196	206	113	119	101	101	90	114	157	159	96	98	131	131	213	213	112	128	159	159
PEL516ARIQLD	138	158	134	134	139	139	206	206	115	115	91	91	114	114	139	143	68	76	131	131	225	225	112	128	159	159
PEL519ARIQLD	128	158	134	134	133	139	204	214	115	143	85	85	88	100	143	143	68	96	115	123	225	225	114	122	159	159
PEL521ARIQLD	128	128	134	134	133	139	206	206	107	123	91	129	88	114	129	145	96	96	115	127	205	205	114	126	159	159
PEL522ARIQLD	138	154	122	134	139	139	190	206	115	115	91	101	88	114	129	145	76	96	127	127	205	215	122	126	159	159
PEL523CARQLD	138	154	134	140	131	133	188	210	123	143	89	99	86	88	145	145	76	76	115	119	215	225	114	118	159	159
PEL524CARQLD	156	158	134	134	133	147	208	208	115	143	101	129	86	88	129	139	68	68	115	115	205	205	114	114	159	159
PEL527CARQLD	138	158	122	134	131	133	210	214	115	123	91	129	88	130	129	129	68	68	119	133	205	219	116	130	159	159
PEL529CARQLD	128	138	134	134	133	147	206	210	105	141	99	99	86	88	137	139	76	96	115	131	205	215	114	128	159	159
PEL533CARQLD	116	154	122	136	133	139	194	206	117	119	85	99	88	88	145	151	68	76	115	115	205	219	114	114	159	159
PEL535CARQLD	128	136	134	134	133	133	210	214	119	123	85	91	86	112	139	139	68	76	115	141	205	217	114	138	159	159
PEL539CARQLD	138	138	134	134	133	145	206	210	125	133	91	99	88	88	129	145	76	78	115	131	205	205	114	128	159	159
PEL542CARQLD	134	154	122	130	131	133	204	218	117	119	89	89	86	104	139	147	96	96	95	127	199	217	94	126	159	159
PEL543CARQLD	128	158	130	130	131	133	216	216	113	141	101	101	88	88	139	145	68	76	115	133	205	215	114	130	159	159
PEL546MOSQLD	128	136	120	126	131	131	184	190	127	127	91	91	86	88	139	159	76	76	123	151	215	215	122	150	159	159
PEL547MOSQLD	128	134	134	134	121	129	214	216	105	117	91	103	86	88	139	151	76	96	115	115	205	207	114	114	159	159
PEL548MOSQLD	128	128	134	134	133	133	204	216	109	143	91	129	86	112	129	139	70	96	115	147	205	217	114	146	159	159
PEL549KIRQLD	138	148	130	134	133	133	190	206	113	119	95	129	88	88	129	129	68	76	115	139	211	217	114	136	149	159
PEL550KIRQLD	138	146	134	140	129	139	206	206	115	119	91	129	86	88	129	143	68	76	115	115	217	217	114	114	159	159
PEL551KIRQLD	140	158	122	134	131	131	206	206	117	143	85	129	88	90	129	149	96	96	115	115	199	209	114	114	159	159
PEL552KIRQLD	120	120	0	0	129	145	0	0	0	0	95	95	88	96	145	145	0	0	115	147	209	223	114	114	159	159
PEL553KIRQLD	146	154	134	134	129	145	194	194	115	119	95	95	88	88	129	145	76	96	115	115	205	205	114	114	159	159
PEL554KIRQLD	120	146	120	134	129	145	184	206	118	91	95	129	88	130	129	145	76	96	115	119	199	205	114	116	159	159
PEL555KIRQLD	128	138	122	140	133	139	206	206	119	127	91	91	86	88	129	133	68	76	115	115	217	217	114	114	159	159

PEL558KIRQLD	136	138	122	130	133	133	216	216	113	121	91	95	86	88	129	143	68	76	115	115	205	219	114	114	149	159
PEL559HELQLD	128	158	136	136	129	139	198	206	115	143	85	91	88	88	129	149	96	96	115	147	209	223	114	146	159	159
PEL560HELQLD	134	154	122	134	131	133	0	0	141	141	91	91	86	88	139	147	0	0	95	127	199	217	94	126	159	159
PEL561HELQLD	128	136	122	138	129	145	204	216	113	143	91	91	86	122	127	139	68	96	119	119	201	217	110	118	159	159
PEL562HELQLD	138	138	134	134	133	145	206	210	125	125	91	99	88	130	129	145	76	78	115	131	205	205	114	128	159	159
PEL563HELQLD	136	138	122	142	131	133	210	226	115	139	91	101	88	88	143	159	70	74	119	119	205	221	116	118	159	159
PEL544SSO,NT	136	138	134	134	121	121	210	210	117	143	87	89	86	96	143	151	68	76	121	143	201	231	120	140	151	159
PEL545SSO,NT	136	140	134	134	147	149	206	210	111	111	83	89	86	108	151	157	76	76	115	119	227	229	114	116	159	159
PEL564SSO,NT	136	136	136	136	147	149	206	206	111	113	101	107	86	86	139	157	92	92	115	123	199	199	114	122	137	151

Inferred ancestry of 192 individuals for a K = 2 model determined using STRUCTURE.

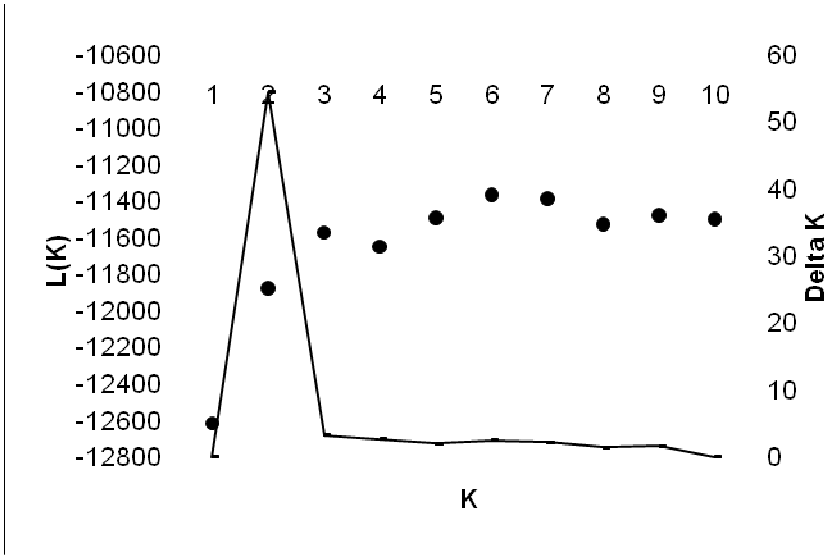
Index	Individual	Proportion of ancestry		Index	Individual	Proportion of ancestry	
		Resinfera group	Pellita group			Resinfera group	Pellita group
1	RES6002RAVQ	0.992	0.008	97	U1Timor	0.989	0.011
2	RES6003RAVQ	0.993	0.007	98	U2Timor	0.989	0.011
3	RES6004RAVQ	0.993	0.007	99	U64Wet	0.983	0.017
4	RES6005RAVQ	0.978	0.022	100	U89Wet	0.947	0.053
5	RES6006RAVQ	0.990	0.010	101	U99Wet	0.981	0.019
6	RES6090MARQ	0.973	0.027	102	U127Flo	0.899	0.101
7	RES6091MARQ	0.995	0.005	103	U129Flo	0.976	0.024
8	RES6092MARQ	0.981	0.019	104	U193Alo	0.903	0.097
9	RES6094MARQ	0.993	0.007	105	PEL401INDO	0.009	0.991
10	RES6096MARQ	0.987	0.013	106	PEL402INDO	0.010	0.990
11	RES6098MARQ	0.953	0.047	107	PEL405INDO	0.027	0.973
12	RES6100MARQ	0.994	0.006	108	PEL406INDO	0.005	0.995
13	RES6101MARQ	0.986	0.014	109	PEL407INDO	0.040	0.960
14	RES6032FRAQ	0.993	0.007	110	PEL410INDO	0.006	0.994
15	RES6035FRAQ	0.942	0.058	111	PEL411INDO	0.010	0.990
16	RES6070STRQ	0.988	0.012	112	PEL413INDO	0.037	0.963
17	RES6072BEEQ	0.979	0.021	113	PEL414SKIPN	0.006	0.994
18	RES6073BEEQ	0.993	0.007	114	PEL415SKIPN	0.005	0.995
19	RES6074BEEQ	0.982	0.018	115	PEL416SKIPN	0.016	0.984
20	RES6077BEEQ	0.970	0.030	116	PEL417SKIPN	0.007	0.993
21	RES6079BEEQ	0.987	0.013	117	PEL419SKIPN	0.009	0.991
22	RES6080BEEQ	0.992	0.008	118	PEL420SKIPN	0.013	0.987
23	RES6081BEEQ	0.987	0.013	119	PEL421SKIPN	0.014	0.986
24	RES6082POMQ	0.985	0.015	120	PEL422SKIPN	0.062	0.938
25	RES6083POMQ	0.962	0.038	121	PEL425SERPN	0.036	0.964
26	RES6084POMQ	0.979	0.021	122	PEL428SERPN	0.008	0.992
27	RES6085POMQ	0.996	0.004	123	PEL430SERPN	0.008	0.992
28	RES6087POMQ	0.990	0.010	124	PEL434SERPN	0.009	0.991
29	RES6088POMQ	0.973	0.027	125	PEL435SERPN	0.006	0.994
30	RES6089POMQ	0.995	0.005	126	PEL438SERPN	0.449	0.551
31	RES6007KENN	0.993	0.007	127	PEL439SERPN	0.143	0.857
32	RES6008KENN	0.985	0.015	128	PEL443SERPN	0.028	0.972
33	RES6009KENN	0.994	0.006	129	PEL444SERPN	0.005	0.995
34	RES6010KENN	0.992	0.008	130	PEL447SERPN	0.003	0.997
35	RES6011KENN	0.982	0.018	131	PEL448SERPN	0.004	0.996
36	RES6013KENN	0.996	0.004	132	PEL449SERPN	0.013	0.987
37	RES6014KENN	0.993	0.007	133	PEL450SERPN	0.010	0.990
38	RES6046KENN	0.995	0.005	134	PEL453SERPN	0.008	0.992
39	RES6048KENN	0.994	0.006	135	PEL454SERPN	0.007	0.993
40	RES6049KENN	0.994	0.006	136	PEL456SERPN	0.018	0.982
41	RES6050KENN	0.994	0.006	137	PEL457KIRPN	0.069	0.931
42	RES6052KENN	0.962	0.038	138	PEL458KIRPN	0.014	0.986
43	RES6054KENN	0.995	0.005	139	PEL459KIRPN	0.014	0.986
44	RES6066KENN	0.991	0.009	140	PEL461KIRPN	0.014	0.986
45	RES6016WOON	0.980	0.020	141	PEL463GOEPN	0.015	0.985
46	RES6017WOON	0.967	0.033	142	PEL464GOEPN	0.157	0.843
47	RES6018WOON	0.982	0.018	143	PEL465GOEPN	0.017	0.983
48	RES6020WOON	0.995	0.005	144	PEL466GOEPN	0.007	0.993

Index	Individual	Proportion of ancestry		Index	Individual	Proportion of ancestry	
		Resinfera group	Pellita group			Resinfera group	Pellita group
49	RES6021WOON	0.027	0.973	145	PEL468GOEPN	0.006	0.994
50	RES6022WOON	0.087	0.913	146	PEL469GOEPN	0.013	0.987
51	RES6023WOON	0.036	0.964	147	PEL501KURQL	0.319	0.681
52	RES6065WOON	0.989	0.011	148	PEL502KURQL	0.096	0.904
53	RES6066WOON	0.963	0.037	149	PEL503KURQL	0.022	0.978
54	RES6068WOON	0.993	0.007	150	PEL504KURQL	0.790	0.210
55	RES6069WOON	0.995	0.005	151	PEL505KURQL	0.425	0.575
56	RES6025COFN	0.109	0.891	152	PEL506KURQL	0.012	0.988
57	RES6026COFN	0.993	0.007	153	PEL507STAQL	0.745	0.255
58	RES6027COFN	0.916	0.084	154	PEL509STAQL	0.031	0.969
59	RES6028COFN	0.994	0.006	155	PEL510STAQL	0.043	0.957
60	RES6029COFN	0.927	0.073	156	PEL511STAQL	0.008	0.992
61	RES6030COFN	0.979	0.021	157	PEL512STAQL	0.818	0.182
62	RES6031COFN	0.992	0.008	158	PEL513ARIQL	0.068	0.932
63	RES6057COFN	0.993	0.007	159	PEL514ARIQL	0.231	0.769
64	RES6060COFN	0.995	0.005	160	PEL515ARIQL	0.011	0.989
65	RES6061COFN	0.984	0.016	161	PEL516ARIQL	0.005	0.995
66	RES6062COFN	0.993	0.007	162	PEL519ARIQL	0.018	0.982
67	RES6063COFN	0.987	0.013	163	PEL521ARIQL	0.006	0.994
68	RES6064COFN	0.996	0.004	164	PEL522ARIQL	0.007	0.993
69	RES6036NOWN	0.993	0.007	165	PEL523CARQL	0.009	0.991
70	RES6038NOWN	0.973	0.027	166	PEL524CARQL	0.011	0.989
71	RES6040NOWN	0.987	0.013	167	PEL527CARQL	0.006	0.994
72	RES6041NOWN	0.993	0.007	168	PEL529CARQL	0.012	0.988
73	RES6042NOWN	0.993	0.007	169	PEL533CARQL	0.012	0.988
74	RES6043NOWN	0.783	0.217	170	PEL535CARQL	0.011	0.989
75	RES6045NOWN	0.993	0.007	171	PEL539CARQL	0.007	0.993
76	RES6102EWIN	0.958	0.042	172	PEL542CARQL	0.035	0.965
77	RES6103EWIN	0.991	0.009	173	PEL543CARQL	0.007	0.993
78	SCIA301BOON	0.951	0.049	174	PEL546MOSQL	0.288	0.712
79	SCIA302BOON	0.977	0.023	175	PEL547MOSQL	0.011	0.989
80	SCIA303BOON	0.990	0.010	176	PEL548MOSQL	0.047	0.953
81	SCIA304BOON	0.993	0.007	177	PEL549KIRQL	0.120	0.880
82	SCIA305BOON	0.940	0.060	178	PEL550KIRQL	0.008	0.992
83	SCIA306MALN	0.987	0.013	179	PEL551KIRQL	0.008	0.992
84	SCIA307MALN	0.994	0.006	180	PEL552KIRQL	0.058	0.942
85	SCIA308BANN	0.992	0.008	181	PEL553KIRQL	0.014	0.986
86	SCIA309BANN	0.994	0.006	182	PEL554KIRQL	0.051	0.949
87	SCIC310BRON	0.965	0.035	183	PEL555KIRQL	0.013	0.987
88	SCIC311BRON	0.737	0.263	184	PEL558KIRQL	0.031	0.969
89	SCIC312BRON	0.981	0.019	185	PEL559HELQL	0.025	0.975
90	SCIC313BRON	0.991	0.009	186	PEL560HELQL	0.009	0.991
91	SCIC314BRON	0.943	0.057	187	PEL561HELQL	0.033	0.967
92	SCIC315BRON	0.984	0.016	188	PEL562HELQL	0.004	0.996
93	SCIS316BOUN	0.991	0.009	189	PEL563HELQL	0.099	0.901
94	SCIS318BOUN	0.981	0.019	190	PEL544SSO,N	0.099	0.901
95	SCIS319BOUN	0.994	0.006	191	PEL545SSO,N	0.009	0.991
96	SCIS320BOUN	0.982	0.018	192	PEL564SSO,N	0.004	0.996

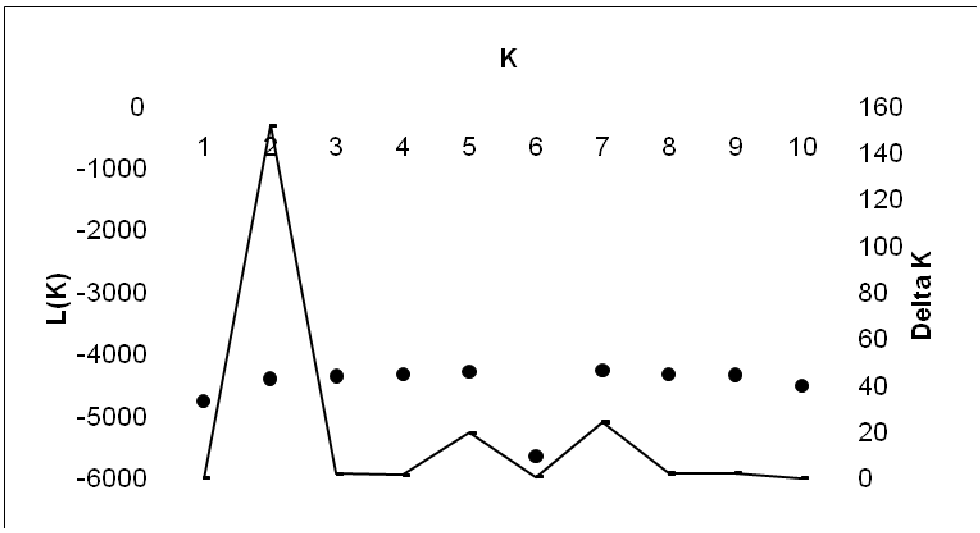
Individual locus and mean genetics diversity for 13 microsatellite markers for each taxa.

Species		**E.006**	**E.011**	**E.020**	**E.028**	**E.042**	**E.068**	**E.081**	**E.120**	**E.175**	**E.209**	**E.210**	**E.214**	**E.242**	**Mean**
resinifera	Na	19	28	16	24	22	23	23	19	17	18	17	19	11	20
	Ho	0.92	0.95	0.81	0.89	0.96	0.54	0.92	0.90	0.77	0.78	0.86	0.82	0.55	0.82
	He	0.90	0.92	0.90	0.94	0.93	0.86	0.92	0.91	0.86	0.83	0.92	0.82	0.68	0.88
scias	Na	15	13	13	17	13	15	14	15	10	12	17	13	10	14
	Ho	0.89	0.79	0.79	0.79	1.00	0.74	0.84	1.00	0.83	0.67	0.94	0.84	0.79	0.84
	He	0.89	0.87	0.89	0.92	0.90	0.87	0.89	0.90	0.85	0.82	0.92	0.84	0.84	0.88
pellita	Na	14	19	13	25	23	19	16	15	19	20	17	25	12	18
	Ho	0.63	0.51	0.74	0.68	0.77	0.73	0.72	0.76	0.70	0.69	0.65	0.80	0.34	0.67
	He	0.79	0.60	0.88	0.89	0.89	0.89	0.77	0.88	0.82	0.80	0.92	0.81	0.53	0.81
Overall mean and SE s															
Na	Mean	14.50	16.50	12.75	19.25	17.00	16.25	16.00	14.50	13.75	14.75	14.75	17.25	10.25	15
	SE	1.85	4.66	1.44	3.28	3.24	3.20	2.55	2.06	2.50	2.56	2.25	3.01	0.85	2.57
Ho	Mean	0.77	0.65	0.80	0.81	0.93	0.75	0.87	0.88	0.73	0.75	0.86	0.83	0.54	0.78
	SE	0.08	0.13	0.03	0.05	0.06	0.09	0.06	0.05	0.05	0.05	0.08	0.02	0.09	0.06
He	Mean	0.87	0.80	0.88	0.90	0.90	0.86	0.86	0.89	0.84	0.83	0.90	0.85	0.72	0.85
	SE	0.02	0.07	0.01	0.02	0.01	0.01	0.03	0.01	0.01	0.01	0.02	0.02	0.07	0.03
Allelic size range (bp)															
resinifera		116-158	110-174	121-155	178-234	101-143	75-135	82-132	121-159	58-106	95-153	187-225	96-152	131-161	
scias		124-160	118-150	119-155	182-232	107-143	75-135	84-124	121-155	58-84	115-159	187-231	96-156	137-163	
pellita		116-158	108-162	119-153	174-226	111-145	81-129	84-130	127-159	62-108	95-163	199-231	94-170	131-165	

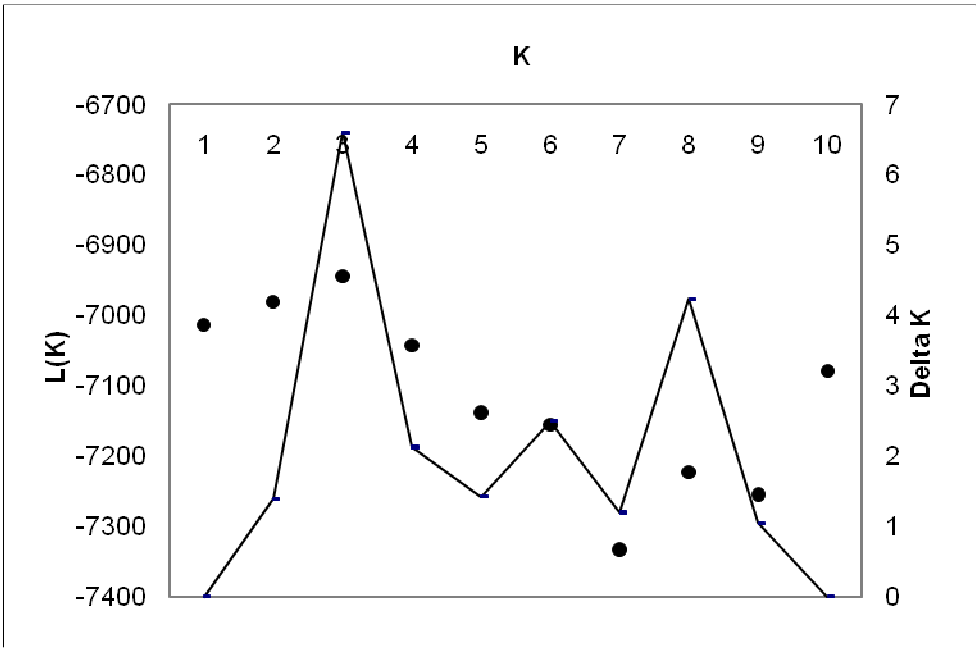
Na = Number of allele
Ho = Observed Heterozygosity
He = Expected Heterozygosity
SE = Standard error
E. = EMBRA



Magnitude of delta K (solid line) and L(K) (dots) as a function of K (mean of 10 replicates) for K = 1-10 for the entire dataset of 192 individuals. A peak at K = 2 suggested two genetic groups was optimal for this dataset.



Magnitude of delta K (solid line) and L(K) (dots) as a function of K (mean of 10 replicates) for K = 1-10 for the Pelleta genetic group of 89 individuals. A large peak at K = 2 suggested a major level of substructuring into two genetic groups.



Magnitude of delta K (solid line) and L(K) (dots) as a function of K (mean of 10 replicates) for K = 1-10 for the dataset of 103 individuals in the Resinifera genetic group.