

Table 1: *Araucaria angustifolia* SSR primers used. Nucleotide sequence, repetitive sequence, observed fragment (bp) and annealing temperature (Ta) according to Schmidt et al. (2007).

Locus	Nucleotide sequence	Repetitive sequence	Observed fragment (bp)	Ta (°C)
Aang01	F: 5' TGACGGGTTCACTCCTACCT 3' R: 5' TAGGAACCCCATTCATTTG 3'	(CT)22	200-260	56
Aang03	F: 5' CGCCTACCTCAATCACTGGT 3' R: 5' TGGGACAATGTGCTTATCCA 3'	(CT)13	150-170	56
Aang07	F: 5' GCTGTCGAGCCTCCTATCAC 3' R: 5' TGGTCGATCGTAGGGATCAT 3'	(CT)13	200-280	54
Aang 12	F: 5' AAGGGTTCACAATGCTGAGG 3' R: 5' TGGATTTTATTATGATGGTTGTTCC 3'	(GA)23	190-240	56
Aang13	F: 5' GAGCACGTGCAGATGTTGAT 3' R: 5' CCATCCTCTCCATGACCACT 3'	(GA)22	200-230	56
Aang15	F: 5'TGGTCGATCGTAGGGATCAT3 R: 5'GCTGTCGAGCCTCCTATCAC3'	(GA)19	210-290	56
Aang24	F: 5' CTCTCCTTCCCCTTGCTCTT 3' R: 5' AGGTGGATCACCACTGAAG 3'	(CT)12	160-200	56
Aang27	F: 5' GGCCATGTTTGATCCAGATT 3' R: 5' GTGACGAGCATTGAATGGA 3'	(CT)19	160-210	56
Aang35	F: 5' CGTTGGTCGGGATATCAGAA 3' R: 5' CTGCTTCCTCCGACATTGATA 3'	(GA)13	200-270	56
Aang36	F: 5 CGGAAGTGTGTAGCAAGGA 3' R: 5' GTGTGCCAATCCTTGACCTT 3'	(GA)13	175-215	56
Aang47	F: 5' AGGGTTGAACATCCCTTTTG 3' R: 5' CATGTTAGGTCGCACCCTTT 3'	(GA)11	155-175	58

Table 2

Seedling	Embryo	Genotype frequency per loci											Frequency for all loci	<i>p</i>	Type of PE
		Aang01	Aang03	Aang07	Aang12	Aang13	Aang15	Aang24	Aang27	Aang35	Aang36	Aang47			
1	1.1	1.000	0.051	0.003	0.034	0.009	0.007	0.035	0.072	0.036	0.067	0.197	0.000	0.000	monozygotic
	1.2	1.000	0.051	0.003	0.034	0.009	0.007	0.035	0.072	0.036	0.067	0.197	0.000		
4	4.1	1.000	0.005	1.000	0.007	0.081	0.012	0.027	0.042	0.004	0.030	0.166	0.000	0.000	monozygotic
	4.2	1.000	0.005	1.000	0.007	0.081	0.012	0.027	0.042	0.004	0.030	0.166	0.000		
5	5.1	0.063	1.000	1.000	1.000	0.003	0.023	0.017	0.018	1.000	0.025	0.197	0.000	0.000	monozygotic
	5.2	0.063	0.005	1.000	0.042	0.003	0.023	0.017	0.018	0.014	0.025	0.197	0.000		
6	6.1	1.000	0.051	1.000	0.026	0.007	0.024	0.017	0.036	0.009	0.083	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	6.2	1.000	1.000	0.043	1.000	0.007	1.000	1.000	0.036	1.000	0.083	1.000	0.000		
8	8.1	1.000	1.000	1.000	1.000	0.001	0.063	1.000	0.039	1.000	0.038	1.000	0.000	0.000	monozygotic
	8.2	1.000	1.000	1.000	1.000	0.001	0.063	1.000	0.039	1.000	0.038	1.000	0.000		
10	10.1	1.000	0.005	0.043	0.028	0.081	0.024	0.071	0.017	0.014	0.067	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	10.2	1.000	0.005	1.000	0.028	0.081	0.024	0.071	0.017	0.014	0.067	0.233	0.000		
11	11.1	1.000	0.051	1.000	0.009	0.015	0.063	0.001	0.004	0.005	0.104	1.000	0.000	0.000	monozygotic
	11.2	1.000	0.051	1.000	0.009	0.015	0.063	0.001	0.004	0.005	0.104	1.000	0.000		
12	12.1	0.047	0.051	0.043	0.028	0.004	0.024	0.026	0.017	0.018	0.009	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	12.2	0.047	0.051	0.043	0.028	0.004	0.024	0.026	0.017	0.018	0.009	0.233	0.000		
13	13.1	1.000	0.181	0.042	0.014	1.000	1.000	0.071	0.030	0.042	0.067	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	13.2	1.000	0.181	0.042	0.014	0.004	0.027	0.071	0.030	0.042	0.067	0.233	0.000		
14	14.1	1.000	0.051	0.045	0.013	0.043	0.027	0.071	0.036	0.036	0.011	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	14.2	1.000	0.051	0.045	0.013	0.043	0.027	0.071	0.036	0.036	0.011	0.233	0.000		
16	16.1	1.000	0.181	0.043	0.019	0.007	0.023	0.071	0.017	0.002	0.014	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	16.2	1.000	0.181	0.043	0.019	0.007	0.023	0.071	1.000	0.002	0.014	0.233	0.000		
17	17.1	1.000	0.181	0.043	0.007	0.081	0.012	0.035	0.015	0.014	0.002	0.197	0.000	0.000	monozygotic
	17.1	1.000	0.181	0.043	0.007	0.081	0.012	0.035	0.015	0.014	0.002	0.197	0.000		
18	18.1	0.047	0.181	0.040	0.029	0.003	0.008	0.071	0.072	0.021	0.038	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	18.2	0.047	0.181	0.040	0.029	1.000	0.008	0.071	0.072	0.021	0.038	0.233	0.000		
19	19.1	0.063	0.181	0.053	0.042	0.043	0.063	0.071	0.013	0.005	0.083	0.166	0.000	0.000	monozygotic
	19.2	0.063	0.181	0.053	0.042	0.043	0.063	0.071	0.013	0.005	0.083	0.166	0.000		
20	20.1	1.000	0.181	1.000	0.014	0.001	0.014	0.026	0.013	0.004	0.104	0.166	0.000	0.000	monozygotic
	20.2	1.000	0.181	1.000	0.014	0.001	0.014	0.026	0.013	0.004	0.104	0.166	0.000		
21	21.1	1.000	0.051	1.000	0.007	0.081	0.023	0.070	0.039	0.010	0.008	0.233	0.000	0.000	monozygotic
	21.2	1.000	0.051	1.000	0.007	0.081	0.023	0.070	0.039	0.010	0.008	0.233	0.000		
24	24.1	0.037	0.051	0.015	0.004	0.003	0.063	0.071	0.030	0.024	0.038	0.166	0.000		

	24.2	1.000	0.051	0.015	0.004	1.000	1.000	0.071	0.030	0.024	0.038	0.166	0.000	0.000	monozygotic
25	25.1	1.000	0.051	1.000	0.012	0.023	0.063	0.010	0.039	0.007	0.104	0.040	0.000		
	25.2	1.000	0.051	1.000	0.012	0.023	0.063	0.010	0.039	0.007	0.104	0.040	0.000	0.000	monozygotic
26	26.1	1.000	0.029	0.057	0.016	0.014	0.024	0.040	0.030	0.036	0.104	0.040	0.000		
	26.2	1.000	0.029	0.057	0.016	0.014	0.024	0.040	0.030	0.036	0.104	0.040	0.000	0.000	monozygotic
29	29.1	1.000	0.029	0.042	0.009	0.027	0.010	0.040	0.015	0.049	0.014	0.040	0.000		
	29.2	1.000	0.029	0.042	0.009	0.027	0.010	0.040	0.015	0.049	0.014	0.040	0.000	0.000	monozygotic
30	30.1	1.000	1.000	0.071	1.000	0.004	1.000	1.000	0.039	0.018	0.025	0.040	0.000		
	30.2	0.015	0.029	0.071	0.019	0.004	0.063	0.035	0.039	0.018	0.025	0.040	0.000	0.000	monozygotic
31	31.1	0.037	0.082	0.053	0.032	0.012	0.063	0.071	0.042	0.017	1.000	0.197	0.000		
	31.2	0.037	0.082	0.053	0.032	0.012	0.063	0.071	0.042	0.017	0.038	0.197	0.000	0.000	monozygotic
32	32.1	1.000	0.082	0.043	0.003	0.001	0.063	1.000	0.012	0.002	0.011	0.233	0.000		
	32.2	1.000	0.082	0.043	0.003	0.001	0.063	0.002	0.012	0.002	0.011	0.233	0.000	0.000	monozygotic
33	33.1	1.000	0.082	0.040	0.029	0.008	0.063	0.005	0.072	0.036	0.030	0.005	0.000		
	33.2	1.000	0.082	0.040	0.029	0.008	0.063	0.005	0.072	0.036	0.030	0.005	0.000	0.000	monozygotic
34	34.1	1.000	0.122	0.055	0.016	0.012	0.038	0.073	0.051	0.036	0.083	0.233	0.000		
	34.2	1.000	0.122	0.055	0.016	0.012	0.038	0.073	0.051	0.036	0.083	0.233	0.000	0.000	monozygotic
35	35.1	1.000	1.000	0.012	1.000	1.000	0.010	1.000	1.000	0.042	0.083	0.197	0.000		
	35.2	1.000	0.082	0.012	1.000	0.043	0.010	0.071	0.100	0.042	0.083	0.197	0.000		
	35.3	1.000	0.082	0.012	0.006	0.043	0.010	0.071	0.100	0.042	0.083	0.197	0.000		
	35.4	1.000	0.082	0.012	0.006	0.043	0.010	0.071	0.100	0.042	0.083	0.197	0.000	0.000	monozygotic
36	36.1	1.000	0.181	0.053	1.000	0.004	0.063	0.036	0.039	0.014	0.104	1.000	0.000		
	36.2	1.000	0.181	0.053	1.000	0.004	0.063	0.036	0.039	0.014	0.104	1.000	0.000	0.000	monozygotic
37	37.1	1.000	0.003	0.053	0.032	0.013	0.063	0.053	0.012	0.030	0.083	0.197	0.000		
	37.2	1.000	0.003	0.053	0.032	0.013	0.063	0.053	0.012	0.030	0.083	0.197	0.000	0.000	monozygotic
38	38.1	0.063	0.082	0.042	0.014	1.000	0.038	0.035	0.051	0.030	0.104	0.197	0.000		
	38.2	0.063	0.082	0.042	0.014	0.002	0.038	0.035	0.051	0.030	0.104	1.000	0.000	0.000	monozygotic
39	39.1	0.012	0.051	0.043	0.026	0.002	0.023	0.040	0.039	0.036	0.014	0.233	0.000		
	39.2	0.012	0.051	0.043	0.026	0.002	0.023	0.040	0.039	0.036	0.014	0.233	0.000	0.000	monozygotic
40	40.1	1.000	0.051	0.071	0.035	1.000	0.063	0.040	0.100	0.026	0.030	0.233	0.000		
	40.2	1.000	1.000	0.071	0.035	1.000	0.063	0.040	0.100	0.026	0.030	0.233	0.000	0.000	monozygotic
41	41.1	0.047	0.029	0.057	0.034	0.023	0.024	0.054	0.072	0.017	0.014	0.197	0.000		
	41.2	0.047	0.029	0.057	0.034	0.023	0.024	0.054	0.072	0.017	0.014	0.197	0.000	0.000	monozygotic
43	43.1	1.000	0.005	0.007	0.007	0.001	0.027	0.073	0.100	0.024	0.005	0.197	0.000		
	43.2	1.000	0.005	0.007	0.007	0.001	0.027	0.073	0.100	0.024	0.005	0.197	0.000	0.000	monozygotic
44	44.1	1.000	0.122	0.006	0.006	0.002	0.014	0.073	0.026	0.021	0.002	0.197	0.000		

	44.2	1.000	0.122	0.006	0.006	0.002	0.014	0.073	0.026	0.021	0.002	0.197	0.000	0.000	monozygotic
45	45.1	1.000	0.020	0.045	1.000	0.001	0.024	0.026	0.100	0.010	0.005	0.166	0.000		
	45.2	1.000	1.000	0.045	1.000	0.001	0.024	1.000	0.100	0.010	0.005	0.166	0.000	0.000	monozygotic
46	46.1	1.000	0.122	0.055	0.042	0.023	0.063	0.026	0.012	0.024	0.038	0.233	0.000		
	46.2	1.000	0.122	0.055	0.042	0.023	0.063	0.026	0.012	0.024	0.038	0.233	0.000	0.000	monozygotic
47	47.1	1.000	0.082	1.000	0.043	0.001	1.000	0.026	0.007	0.020	0.010	0.233	0.000		
	47.2	1.000	0.082	1.000	0.043	0.001	0.063	0.026	0.007	0.020	0.010	0.233	0.000	0.000	monozygotic
48	48.1	1.000	0.008	0.003	0.008	0.001	1.000	0.053	0.018	0.009	0.004	0.233	0.000		
	48.2	1.000	0.008	0.003	1.000	1.000	1.000	0.053	0.018	1.000	1.000	0.233	0.000	0.000	monozygotic
49	49.1	1.000	0.005	0.057	0.026	0.001	0.004	1.000	0.028	0.014	0.003	0.040	0.000		
	49.2	1.000	0.005	0.057	0.026	0.001	0.004	0.053	0.028	0.014	0.003	0.040	0.000	0.000	monozygotic
50	50.1	1.000	0.020	0.015	0.042	0.005	0.038	0.040	0.072	0.017	0.002	0.040	0.000		
	50.2	1.000	0.020	0.015	0.042	0.005	0.038	0.040	0.072	0.017	0.002	0.040	0.000		
	50.3	1.000	0.020	0.015	0.042	0.005	0.038	0.040	0.072	0.017	0.002	0.040	0.000	0.000	monozygotic
51	51.1	1.000	0.122	0.045	0.013	0.012	0.011	0.073	0.010	0.010	0.010	0.040	0.000		
	51.2	1.000	0.122	0.045	0.013	0.012	0.011	0.073	0.010	0.010	0.010	0.040	0.000		
	51.3	1.000	0.122	0.045	0.013	0.012	0.011	0.073	0.010	0.010	0.010	0.040	0.000		
	51.4	1.000	0.122	0.045	0.013	0.012	0.011	0.073	0.010	0.010	0.010	0.040	0.000	0.000	monozygotic