

Supplementary material

Genetic analyses reveal limited dispersal and recovery potential in the large freshwater crayfish *Euastacus armatus* from the southern Murray–Darling Basin

Nick S. Whiterod^A, Sylvia Zukowski^A, Martin Asmus^B, Dean Gilligan^C and Adam D. Miller^{A,D,E}

^AAquasave – Nature Glenelg Trust, Goolwa Beach, SA 5214, Australia.

^BNSW Department of Primary Industries, Narrandera, NSW 2700, Australia.

^CNSW Department of Primary Industries, Batemans Bay, NSW 2536, Australia.

^DSchool of Life & Environmental Sciences, Centre for Integrative Ecology, Deakin University, Warrnambool, Vic. 3280, Australia.

^ECorresponding author. Email: a.miller@deakin.adu.au

Table S1. Pairwise estimates of F_{ST} (lower diagonal) and D_{est} (upper diagonal) between *Euastacus armatus* collection sites based on seven microsatellite loci

Values shown in bold are significant ($P < 0.001$) after 10 000 permutations and correction for multiple comparisons

	TO	RP	WB	CO	GU	PE	ED	BU	HB	AB	PC	EG	SF	TA	LS	KI	OV	GO	LA	MA
TO		0.16	0.38	0.32	0.45	0.40	0.45	0.46	0.51	0.54	0.42	0.69	0.63	0.65	0.29	0.33	0.21	0.53	0.78	0.82
RP	0.05		0.12	0.12	0.24	0.21	0.20	0.15	0.22	0.23	0.18	0.43	0.43	0.48	0.36	0.16	0.08	0.21	0.73	0.65
WB	0.13	0.04		0.01	0.05	0.05	0.03	0.04	0.09	0.08	0.12	0.32	0.33	0.38	0.38	0.11	0.05	0.04	0.62	0.52
CO	0.10	0.04	0.00		0.08	0.08	0.08	0.08	0.15	0.16	0.13	0.40	0.40	0.44	0.33	0.14	0.05	0.10	0.59	0.55
GU	0.14	0.08	0.02	0.03		-0.01	0.03	0.07	0.10	0.11	0.09	0.29	0.41	0.42	0.45	0.18	0.10	0.07	0.51	0.44
PE	0.13	0.07	0.02	0.03	0.00		0.00	0.08	0.09	0.07	0.09	0.28	0.37	0.37	0.43	0.18	0.04	0.07	0.55	0.53
ED	0.15	0.07	0.01	0.03	0.01	0.00		0.05	0.07	0.09	0.11	0.34	0.41	0.42	0.44	0.11	0.08	0.08	0.61	0.47
BU	0.16	0.05	0.02	0.03	0.03	0.03	0.02		0.03	0.05	0.13	0.31	0.35	0.37	0.43	0.13	0.11	0.04	0.62	0.42
HB	0.20	0.09	0.04	0.06	0.04	0.04	0.03	0.01		0.02	0.12	0.20	0.23	0.24	0.51	0.15	0.17	0.09	0.63	0.33
AB	0.23	0.10	0.04	0.07	0.05	0.04	0.04	0.03	0.01		0.10	0.14	0.19	0.23	0.52	0.17	0.13	0.06	0.64	0.38
PC	0.15	0.06	0.05	0.05	0.03	0.03	0.04	0.05	0.05	0.05		0.28	0.29	0.36	0.50	0.21	0.10	0.15	0.51	0.46
EG	0.40	0.25	0.19	0.22	0.19	0.18	0.20	0.21	0.15	0.13	0.21		0.11	0.09	0.76	0.39	0.37	0.25	0.60	0.37
SF	0.39	0.26	0.21	0.22	0.26	0.24	0.24	0.24	0.18	0.17	0.22	0.16		0.03	0.75	0.42	0.38	0.30	0.63	0.48
TA	0.41	0.28	0.23	0.24	0.26	0.24	0.24	0.25	0.18	0.20	0.26	0.15	0.05		0.77	0.46	0.43	0.35	0.62	0.48
LS	0.15	0.17	0.17	0.14	0.20	0.19	0.19	0.20	0.25	0.27	0.23	0.46	0.47	0.49		0.31	0.31	0.52	0.77	0.68
KI	0.12	0.06	0.04	0.05	0.07	0.07	0.04	0.06	0.07	0.09	0.09	0.25	0.27	0.30	0.16		0.11	0.21	0.73	0.47
OV	0.07	0.03	0.02	0.02	0.04	0.01	0.03	0.04	0.07	0.06	0.04	0.22	0.24	0.26	0.15	0.04		0.15	0.63	0.63
GO	0.17	0.07	0.02	0.03	0.03	0.03	0.03	0.02	0.04	0.03	0.06	0.16	0.20	0.22	0.23	0.08	0.05		0.55	0.45
LA	0.54	0.43	0.38	0.35	0.35	0.39	0.36	0.43	0.42	0.47	0.40	0.62	0.62	0.73	0.54	0.46	0.39	0.36		0.56
MA	0.49	0.38	0.31	0.31	0.29	0.34	0.28	0.30	0.26	0.32	0.34	0.42	0.49	0.53	0.47	0.32	0.37	0.29	0.64	