

10.1071/BT18103_AC

© CSIRO 2019

Supplementary Material: *Australian Journal of Botany*, 2019, 67, 205–217.

Complex genetic relationships within and among cytotypes in the *Lepidosperma costale* species complex (Cyperaceae) on rocky outcrops in Western Australia

Mark J. Wallace^{A,B,C,D}, Siegfried L. Krauss^{A,B} and Matthew D. Barrett^{A,B}

^ABotanic Gardens and Parks Authority, Kings Park and Botanic Garden, West Perth, WA 6005, Australia.

^BSchool of Plant Biology, University of Western Australia, Crawley, WA 6009, Australia.

^CPresent address: Centre for Australian National Biodiversity Research, Acton, ACT 2601, Australia.

^DCorresponding author. Email: m.wallace@csiro.au

Supplementary Table 1. AMOVA-based (Φ_{PT}) population pairwise comparisons for cpSSR data (above diagonal) and nSSR data (below diagonal). Analyses were performed at the genet level (only one sample per clone) and the number of samples from each population are shown in parentheses. Significant comparisons ($P < 0.05$) shown in bold

	PAF	BEA	JFO	MTM	WAN	OPP	KAR	MUN	LMG	RES	WUB	GAT	CAM	WAR	CAN	KOO	RMG	MOL	PET	DKA	HUG	GOM	KAL	KNO	QUA	TOD
PAF (30)	-	0.048	0.233	0.248	0.051	0.306	0.228	0.368	0.067	0.064	0.049	0.086	0.155	0.062	0.080	0.245	0.084	0.057	0.042	0.082	0.116	0.184	0.231	0.309	0.384	0.752
BEA (26)	0.051	-	0.174	0.177	0.019	0.201	0.136	0.286	0.013	0.068	0.084	0.141	0.104	0.106	0.169	0.233	0.036	0.146	0.059	0.080	0.145	0.130	0.194	0.287	0.364	0.722
JFO (29)	0.105	0.077	-	0.033	0.144	0.046	0.005	0.044	0.155	0.139	0.196	0.330	0.093	0.190	0.287	0.312	0.133	0.340	0.085	0.220	0.096	0.260	0.324	0.319	0.408	0.757
MTM (30)	0.083	0.067	0.040	-	0.159	0.019	0.019	0.035	0.183	0.142	0.174	0.361	0.107	0.202	0.318	0.319	0.087	0.351	0.120	0.244	0.158	0.274	0.319	0.328	0.419	0.754
WAN (29)	0.030	0.019	0.079	0.046	-	0.182	0.112	0.265	0.000	0.002	0.058	0.080	0.076	0.046	0.145	0.193	0.035	0.090	0.002	0.076	0.095	0.066	0.173	0.273	0.342	0.717
OPP (25)	0.089	0.093	0.088	0.070	0.044	-	0.000	0.014	0.207	0.184	0.215	0.417	0.164	0.293	0.390	0.426	0.195	0.427	0.158	0.296	0.193	0.371	0.361	0.427	0.471	0.800
KAR (20)	0.102	0.083	0.034	0.032	0.077	0.053	-	0.041	0.123	0.123	0.169	0.330	0.118	0.214	0.311	0.370	0.117	0.348	0.092	0.229	0.145	0.289	0.294	0.346	0.410	0.775
MUN (20)	0.125	0.097	0.051	0.054	0.071	0.077	0.034	-	0.301	0.246	0.282	0.491	0.233	0.347	0.429	0.500	0.298	0.492	0.226	0.363	0.233	0.449	0.403	0.434	0.482	0.827
LMG (29)	0.058	0.023	0.074	0.070	0.041	0.087	0.054	0.086	-	0.045	0.108	0.118	0.091	0.097	0.197	0.241	0.066	0.139	0.051	0.129	0.152	0.140	0.232	0.365	0.410	0.771
RES (28)	0.061	0.026	0.088	0.061	0.021	0.076	0.090	0.095	0.040	-	0.050	0.084	0.095	0.012	0.102	0.186	0.034	0.105	0.000	0.057	0.071	0.037	0.138	0.202	0.293	0.676
WUB (25)	0.088	0.056	0.115	0.110	0.072	0.144	0.113	0.132	0.088	0.072	-	0.135	0.145	0.046	0.110	0.251	0.052	0.117	0.000	0.108	0.058	0.164	0.220	0.252	0.348	0.722
GAT (29)	0.101	0.124	0.122	0.102	0.072	0.115	0.110	0.117	0.100	0.112	0.146	-	0.250	0.113	0.142	0.318	0.166	0.071	0.161	0.179	0.240	0.162	0.268	0.357	0.473	0.805
CAM (22)	0.066	0.065	0.088	0.051	0.042	0.067	0.047	0.090	0.056	0.050	0.078	0.112	-	0.122	0.240	0.051	0.000	0.231	0.069	0.137	0.098	0.200	0.237	0.318	0.353	0.718
WAR (11)	0.186	0.180	0.227	0.208	0.192	0.235	0.233	0.254	0.165	0.168	0.165	0.175	0.182	-	0.038	0.209	0.047	0.101	0.000	0.089	0.078	0.029	0.175	0.202	0.275	0.745
CAN (18)	0.203	0.194	0.226	0.217	0.214	0.247	0.231	0.263	0.190	0.173	0.167	0.217	0.199	0.120	-	0.309	0.155	0.126	0.066	0.151	0.154	0.131	0.238	0.218	0.324	0.735
KOO (11)	0.335	0.321	0.422	0.396	0.327	0.397	0.418	0.434	0.344	0.293	0.267	0.341	0.337	0.269	0.267	-	0.117	0.269	0.229	0.213	0.237	0.308	0.272	0.394	0.403	0.788
RMG (7)	0.319	0.293	0.378	0.362	0.294	0.368	0.383	0.372	0.293	0.281	0.267	0.305	0.282	0.248	0.247	0.355	-	0.168	0.041	0.114	0.134	0.138	0.145	0.173	0.285	0.744
MOL (19)	0.153	0.177	0.209	0.170	0.149	0.178	0.159	0.201	0.164	0.143	0.149	0.120	0.130	0.160	0.160	0.256	0.289	-	0.140	0.125	0.213	0.203	0.205	0.311	0.387	0.776
PET (7)	0.124	0.118	0.165	0.138	0.125	0.159	0.153	0.164	0.139	0.124	0.106	0.158	0.100	0.151	0.175	0.343	0.309	0.125	-	0.021	0.000	0.066	0.131	0.159	0.215	0.723
DKA (10)	0.211	0.227	0.261	0.225	0.189	0.251	0.234	0.252	0.198	0.182	0.171	0.156	0.157	0.143	0.170	0.273	0.261	0.110	0.167	-	0.098	0.169	0.110	0.230	0.295	0.702
HUG (9)	0.177	0.165	0.207	0.183	0.182	0.215	0.183	0.205	0.159	0.162	0.142	0.186	0.143	0.162	0.171	0.313	0.282	0.131	0.115	0.100	-	0.166	0.211	0.178	0.284	0.736
GOM (4)	0.200	0.198	0.258	0.274	0.170	0.214	0.242	0.241	0.212	0.193	0.199	0.206	0.165	0.225	0.208	0.341	0.393	0.133	0.191	0.159	0.176	-	0.169	0.047	0.274	0.808
KAL (9)	0.202	0.208	0.231	0.222	0.187	0.209	0.209	0.197	0.207	0.189	0.194	0.134	0.180	0.141	0.190	0.320	0.293	0.119	0.156	0.154	0.172	0.211	-	0.016	0.000	0.369
KNO (3)	0.198	0.217	0.271	0.268	0.194	0.252	0.265	0.269	0.190	0.182	0.146	0.146	0.194	0.148	0.149	0.297	0.302	0.096	0.196	0.049	0.175	0.186	0.118	-	0.000	0.455
QUA (6)	0.178	0.165	0.222	0.209	0.176	0.203	0.220	0.226	0.174	0.129	0.145	0.196	0.142	0.111	0.147	0.331	0.253	0.151	0.120	0.182	0.151	0.187	0.130	0.100	-	0.204
TOD (3)	0.335	0.341	0.381	0.399	0.323	0.384	0.394	0.367	0.318	0.302	0.276	0.294	0.322	0.221	0.303	0.451	0.432	0.278	0.336	0.260	0.319	0.406	0.224	0.191	0.231	-
NNO (5)	0.273	0.295	0.358	0.396	0.292	0.352	0.389	0.373	0.326	0.270	0.246	0.337	0.308	0.297	0.305	0.472	0.453	0.290	0.310	0.319	0.353	0.377	0.252	0.333	0.228	0.350
CAT (7)	0.228	0.211	0.268	0.248	0.200	0.248	0.282	0.261	0.240	0.221	0.190	0.233	0.229	0.224	0.259	0.383	0.360	0.260	0.223	0.221	0.234	0.344	0.203	0.285	0.261	0.322